

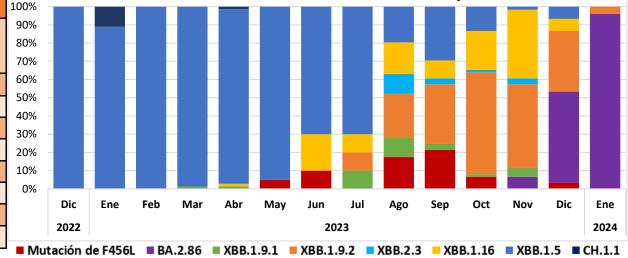
Variantes del COVID-19 Circulando en el Condado de Imperial

Actualizado 02/26/2024

Actualización de Variantes del COVID-19:

- Este informe sigue la guía del Departamento de Salud Pública de California (CDPH) y los Centros para el Control y la Prevención de Enfermedades (CDC) para caracterizar las variantes emergentes y monitorear su impacto potencial en las vacunas, los tratamientos y los diagnósticos.
- Los virus como el SARS-CoV-2 evolucionan continuamente a medida que se producen cambios en el código genético durante la replicación del genoma. A lo largo de la pandemia, el SARS-CoV-2 ha mutado constantemente, lo que ha dado lugar a diferentes variantes del virus original.
- La Organización Mundial de la Salud (OMS) ha clasificado los linajes o grupos de linajes relacionados utilizando letras griegas (como Ómicron). Estos métodos de clasificación permiten a los científicos comunicar similitudes y diferencias entre los virus SARS-CoV-2.

Nomenclatura de la OMS	Linaje Pango	Estado Actual*	Secuencias
No se aplica	Variantes que contienen mutaciones de la proteína F456L**	VOI	29
ómicron	BA.2.86	VBM	44
	XBB.1.9.1	VBM	14
	XBB.1.9.2	VBM	113
	XBB.2.3	VBM	10
	XBB.1.16	VBM	59
	XBB.1.5	VBM	274
	CH.1.1	VBM	2
	BA.2.74	VBM	0



Variantes Circulando en el Condado de Imperial

*VOC=Variante de preocupación, VOI=Variante de interés, VBM=Variante bajo monitoreo **Muchos linajes han adquirido la mutación F456L y algunos ejemplos son EG.5, FL.1.5.1, y XBB.1.16.6

- Nota: No todas las pruebas positivas son secuenciadas para detectar variantes, los recuentos de casos no muestran el número exacto de variantes que circulan en el condado de Imperial, pero se utilizan para estimar las proporciones de variantes circulando.
- Para obtener un informe completo sobre las variantes que ya no están en circulación, visite: <u>Datos de COVID-19 - Departamento</u> de Salud Pública del Condado de Imperial (icphd.org)
- Para obtener más información sobre las clasificaciones de variantes, visite: <u>Clasificaciones y definiciones de las variantes</u> <u>del SARS-CoV-2 (cdc.gov)</u>

